



XI congreso Nacional *de* Mejora Genética *de* PLANTAS

Complejo Cultural San Francisco
Cáceres 24-26 sep'24

ORGANIZA:



CENTRO DE INVESTIGACIONES
CIENTÍFICAS Y TECNOLÓGICA
DE EXTREMADURA



COLABORA:



AYUNTAMIENTO
cáceres



DIPUTACIÓN DE CÁCERES



plataforma tecnológica
de biotecnología vegetal

PATROCINA:



PROGRAMA DE ACTIVIDADES

Hora	Lunes 23	Martes 24	Miércoles 25	Jueves 26
8:00		Registro y entrega de documentación		
8:30			Sesión 2. Métodos de Mejora y Herramientas Moleculares (1/2)	
9:00		Acto de apertura Conferencia Inaugural		Sesión 3. Mejora de resistencias a estrés abiótico
10:30		CAFÉ	CAFÉ	CAFÉ
11:00		Sesión 1. Recursos fitogenéticos	Sesión 2. Métodos de Mejora y Herramientas Moleculares (2/2)	Sesión 5. Mejora de la calidad y valor nutritivo
13:00				Sesión 6. Nuevos cultivos frente al reto del cambio climático
14:00		COMIDA		COMIDA
14:30			COMIDA	
15:30		Sesión 4. Mejora de resistencias a plagas y enfermedades (1/2)		Conferencia Clausura Acto de Clausura
16:00		CAFÉ		Visita técnica
17:00		Sesión 4. Mejora de resistencias a plagas y enfermedades (2/2)	Sesión ciencia-empresa	
17:30				
18:00				
18:30			Reunión SECH	
19:00	*Registro y entrega de documentación			
20:00		Visita Guiada		
21:00		Aperitivo de Bienvenida		
21:30			Cena de Gala	

*Recogida de documentación en Complejo cultural San Francisco

Lunes 23 de septiembre

19.00h. Registro y entrega de documentación.

Martes 24 de septiembre

8:00h. Registro y entrega de documentación.

9:00h. Acto de apertura

9:30h. Conferencia Inaugural. “Utilización de antagonistas de los receptores ABA para regular la transpiración y aumentar la eficiencia en el uso de agua en tomate, vid y trigo”. Pedro Luis Rodríguez. (Instituto de Biología molecular y celular de plantas, Valencia).

10:30h. Desayuno

11:00h. Sesión 1. *Recursos fitogenéticos.*

Comunicaciones orales

S101: Correlaciones entre parámetros fisicoquímicos, fenoles totales y niveles de oxidación relacionados con la aptitud de variedades tradicionales de manzana. Francisco Javier Bielsa, Ana Pina, Nerea Iturmendi, Patricia Irisarri, Montse Navarro, Iñigo Arozarena, Jorge Urrestarazu, Pilar Errea, Carlos Miranda*.

S102: El Banco Mundial de Germoplasma de Olivo: estado actual de conservación, evaluación y utilización de las variedades. Angjelina Belaj*, Francisco Jesús Gómez-Gálvez, Juan Cano, Juan Carlos Hidalgo Ignacio Lorite, Lorenzo León, Raúl de la Rosa.

S103: Construcción de colecciones nucleares de distintas especies de Vicia mediante la integración de datos fenotípicos y genotípicos. Elena Ramírez-Parra*, María Isabel López-Román, Lucía De la Rosa, Teresa Marcos-Prado, Luis M. Guasch, Cristina Castaño-Herrero.

S104: Viabilidad de semillas después de 40 años. Resultados del banco de germoplasma del CRF-INIA-CSIC. Isaura Martín*, Sonia Sánchez, Marta Guerrero, Francisco de Andrés, Luis Guasch.

S1O5: E2F22_lc2: resultados del segundo año del MLFT de lentejas del proyecto INCREASE. Lucía De la Rosa*, Miguel A López, Teresa Marcos-Prado, Luis M. Guasch, Elena Ramírez-Parra, María Isabel López-Román, Jose L. Gabriel, Raúl San-Juan-Heras.

Comunicaciones Póster

S1P1: Caracterización funcional de la colección activa oficial de leguminosas pratenses anuales del Banco de Germoplasma del CICYTEX: metabolitos secundarios y servicios ecosistémicos. Francisco A. Galea-Gragera*, Fernando Llera, Jonathan Delgado, Alfonso Ortega, Francisco Espinosa, Inmaculada Garrido y Sonia Pardo.

S1P2: Variabilidad morfológica de los caracteres del fruto en diferentes clones de Albacor. A.M. Fernández-León, M. Muñoz-Santisteban, M. Pérez-López, G. Domínguez, A.M. Montero de Espinosa, A.J. Galán, A.I. Galván, F. Pérez-Gragera, M. Cordero, M. López-Corrales*.

S1P3: Evaluación de una nueva población interespecífica MAGIC de tomate obtenida a partir de *Solanum lycopersicum* var. *cerasiforme* y *S. pimpinellifolium* para la eficiencia del uso del nitrógeno (NUE). Andrea Arrones*, Daniel Gil-Villar, Eva Jiménez-Benavente, Sandra Giménez, María José Díez, Pietro Gramazio, Mariola Plazas, Rosa Victoria Molina, Santiago Vilanova, Jaime Prohens, Sergio G. Nebauer.

S1P4: Desarrollo de líneas de sustitución de *Hordeum chilense* en trigo duro. María-Carmen Calderón, Zuny Cifuentes, Cristina Miguel-Rojas, Josefina Carmen Sillero, Pilar Prieto*.

S1P5: Descripción morfoagronómica cuantitativa y cualitativa de accesiones de *Brassica oleracea* (L.) en una colección del Banco de Germoplasma de la Universidad Politécnica de Valencia. E. Prendes-Rodríguez*, A. Iborra, C. Guijarro-Real, A. Fita, A. Rodríguez-Burruezo.

S1P6: Clasificación de germoplasma de manzano tradicional español en función de su aptitud: mesa vs sidra. Miguel Ferrer, Francisco Javier Bielsa, Nerea Iturmendi, Patricia Irisarri, Montse Navarro, Pilar Errea, Iñigo Arozarena, Jorge Urrestarazu, Ana Pina*, Carlos Miranda*.

S1P7: Evaluación del contenido del aminoácido no proteico ácido β -3-N-oxalil-L-2,3 diaminopropiónico (β -ODAP) en almortas (*Lathyrus sativus* L.) conservadas en el Banco de Germoplasma Hortícola del CITA. Cristina Mallor*, Gloria Estopañán.

S1P8: Caracterización de 90 ecotipos de tomate "De colgar" del Banco de Germoplasma del IMIDA (BAGERIM). José Ángel Cabrera Miras*, Nuria López Pérez, Alba García Molina, Pedro Carbonell Cedrá, Aranzazu Alonso Sanchís, Adrián Grau Sánchez, Juan José Ruiz Martínez, Santiago García Martínez, Josefa Gomariz Pérez, Elena Sánchez López.

S1P9: Diversidad a escala genómica de la colección de germoplasma de granado de la Estación Experimental Agraria d'Elx (Alicante, España). Julián Bartual, Ana Lozano, Elena Zuriaga*.

S1P10: Evaluación de la variabilidad de la cobertura en una colección de ecotipos de garbanzo. Eva María Córdoba*, Clara González-Verdejo, Carmen Ávila, María Dolores Domínguez, Salvador Nadal.

- S1P11: Especiación del *Trifolium subterraneum* L.** Fernando Llera*, Francisco A. Galea-Gragera.
- S1P12: Caracterización molecular mediante microsatélites de las 3 subespecies de *Trifolium subterraneum* del Banco de Germoplasma del CICYTEX.** Yolanda Romano, Francisco A. Galea-Gragera, Sonia Pardo, Fernando Llera.
- S1P13: Utilización de tecnologías radiométricas en la colección activa oficial de leguminosas pratenses anuales del Banco de Germoplasma del CICYTEX.** Francisco A. Galea-Gragera*, Fernando Llera, Jonathan Delgado, Alfonso Ortega, Sonia Pardo.
- S1P14: Análisis fenotípico de parámetros de calidad y efectos climáticos en un banco de germoplasma de melocotonero (*Prunus persica*) en Aragón.** Lucía Mestre, Santiago Beguería, Rosa Giménez, Gemma Reig, Carolina Font i Forcada, Gemma Echeverría, María Angeles Moreno*.
- S1P15: Interacción genotipo-ambiente sobre las características organolépticas de cultivares tradicionales de tomate (*Solanum lycopersicum* L.).** Pilar Hellín*, Alicia Sánchez-Sánchez, Virginia Hernández, Elena Sánchez, Elia Molina, Nuria López, Pilar Flores.
- S1P16: Potencial de nuevas variedades de brásicas resistentes a estreses bióticos y enriquecidas en compuestos saludables para su comercialización.** Soengas P*, Velasco P, Rial T, Cartea ME.
- S1P17: Identificación de resistencias genéticas a virus en una colección de tomate tradicional "De colgar" del banco de germoplasma del IMIDA (BAGERIM).** Pedro Carbonell Cerdá*, Alba García Molina, Aránzazu Alonso Sanchís, Adrián Grau Sánchez, José Ángel Cabrera Miras, Nuria López Pérez, Josefa Gomariz Pérez, Asunción Amorós Marco, Juan José Ruiz Martínez, Elena Sánchez López, Santiago García Martínez.
- S1P18: Micro-Mel: Una berenjena enana como planta modelo para investigación y ornamental.** Marina Martínez-López, Mariola Plazas, Edgar García-Forte, Santiago Vilanova, Jaime Prohens, Pietro Gramazio*.
- S1P19: Progresos realizados en la mejora de genética del trébol persa.** Teresa Carita*.

14:00h. Comida

15:30h. Sesión 4. Mejora de resistencias a plagas y enfermedades (1/2)

Comunicaciones orales

S4O1: Caracterización y determinación de la patogenicidad de aislados del hongo *Macrophomina phaseolina* identificados en cucurbitáceas. Paula Galarza*, Eva María Martínez-Pérez, Vicente González-García, Ana Garcés-Claver, Belén Picó Sirvent, Ana Pérez-de-Castro.

S402: La podredumbre negra altera el desarrollo de *Brassica oleracea*, acortando y ensanchando estructuras. Carmen Vega-Álvarez*, Marta Francisco, Rogelio Santiago, Ana Carballeda, Pilar Soengas.

S403: Combining marker assisted introgression (MAI) and Resynthesis to pyramid two resistance genes for peach powdery mildew. Ioannis Kandylas, Paloma Cabezas, Pere Arús, Iban Eduardo*.

S404: La resistencia a CYSDV en melón: detección de genes candidatos mediante análisis genómicos. María López-Martín, Laura Prósper, Belén Picó, María Luisa Gómez-Guillamón, Ana Pérez-de-Castro*.

S405: Variabilidad genética de aislados de *Neocosmospora falciformis* asociados a la fusariosis del melón y la sandía en España. Oreto Fayos*, Vicente González, Rubén Val, Carmen Julián, Ester Sales, Ana Garcés-Claver.

17:00h. Café

17:30h. Sesión 4. Mejora de resistencias a plagas y enfermedades (2/2)

Comunicaciones Póster

S4P1: Búsqueda de fuentes de resistencia a *Neocosmospora falciformis* en cucurbitáceas. Ana Garcés-Claver, Oreto Fayos, Carmen Julián, Hela Chikh-Rouhou, Vicente González*.

S4P2: Cribado de diversidad bacteriana en plantas de melón y sandía de áreas productoras en España. Selección de antagonistas para el control de enfermedades de suelo asociadas. Ana Garcés-Claver, Oreto Fayos, Carmen Julián, Vicente González*.

S4P3: Identificación molecular de los hongos patógenos causantes de las enfermedades de oídio (*Erysiphe necator*) y mildiu (*Plasmopara viticola*) en vid (*Vitis vinifera* L.) a partir de muestras de inóculo aéreo. Joaquín Balduque-Gil, Ana Garcés-Claver, Inés Pérez-Lamuela, Juan J. Barriuso-Vargas, Oreto Fayos*.

S4P4: Análisis de QTLs para mancha ocre (*Polystigma amygdalinum*) en almendro. Alejandro Calle*, Gemma Pons-Solé, Jordi Luque, Laura Torguet, Iban Eduardo, Ignasi Batlle, Xavier Miarnau.

S4P5: QTL para resistencia a la contaminación del grano de maíz con fumonisinas utilizando una población multiparental. Noemi Gesteiro, Ana Cao, Rogelio Santiago, Rosa Ana Malvar, Ana Butrón*.

S4P6: Optimización de una metodología de inoculación de *Fusarium oxysporum* en borraja (*Borago officinalis*) y estudios epidemiológicos de su transmisión. Cristina Mallor*, Carmen Julián, Vicente González.

S4P7: Evaluación de la resistencia a CGMMV de accesiones de *Cucurbita máxima* y *C. moschata* en condiciones de cultivo bajo abrigo. I. Guerrero-Cózar*, P. Gómez, B. Román, A. Manzano, L. Ruiz.

S4P8: Avances en el control genético de ToLCNDV en el cultivo del melón y calabaza. Belén Román, Pedro Gómez, Dirk Janssen, Leticia Ruiz*.

S4P9: Oferta de cultivares resistentes que reducen el impacto de las enfermedades en calabacín y calabaza. Israel Guerrero-Cózar, María del Carmen García, Antonio Manzano, Miguel de Cara, Dirk Janssen, Leticia Ruiz.

S4P10: Diversidad y potencial de los hongos endófitos aislados de *Brassica rapa* y *Capsicum annuum*. María Díaz-Urbano*, Rosaura Abilleira, Jorge Poveda, Pablo Velasco, Víctor Rodríguez.

S4P11: Evaluación de la compatibilidad de injerto en almendro con nuevos portainjertos del género *Prunus*. Patricia Irisarri*, Ramón Botet, María J. Rubio-Cabetas, Ana Pina.

S4P12: ToMAGIC, una población multiparental que sirve como recurso genético útil para mapear nuevos genes de resistencia contra *Fusarium oxysporum lycopersici*. Oussama Antar*, Andrea Solana, Maria R. Figàs, María José Díez, Andrea Arrones, Salvador Soler, Santiago Vilanova.

S4P13: Manejo y control del oídio de la vid (*Uncinula necator* Burr.) en la D.O.P. Cariñena (Aragón). Estudio de fuentes de resistencia natural y biología del patógeno. Vicente González*, Carmen Julián, Ana Pilar Gracia, María Ángeles Portal, Paolo Gazzola.

S4P14: Apilamiento de genes de resistencia a oídio en melocotonero usando las estrategias de introgresión asistida por marcadores (MAI) y resíntesis. Ioannis Kandylas, Paloma Cabezas-Blanco, Pere Arús, Iban Eduardo*.

S4P15: Introducción de resistencias genéticas a virus en tomate ‘flor de baladre’ y tipo ‘pimiento’. Santiago García Martínez*, Pedro Carbonell Cerdá, Aránzazu Alonso Sanchís, Adrián Grau Sánchez, José Ángel Cabrera Miras, Nuria López Pérez, Josefa Gomariz Pérez, Elena Sánchez López, Asunción Amorós Marco, Juan José Ruiz Martínez.

18:30h. Fin de Jornada

20:00h. Visita guiada por la ciudad monumental de Cáceres.

21:00h. Aperitivo de Bienvenida.

Lugar: Gran Hotel Don Manuel.

Miércoles 25 de septiembre

8:30h. Sesión 2. *Métodos de Mejora y Herramientas Moleculares (1/2)*

Comunicaciones orales

S201: Mejora Participativa del maíz dulce para su adaptación a diversas localidades de España. Ana López-Malvar*, Lorena Álvarez, Rosa Ana Malvar, Pedro Revilla.

S202: Incompatibilidad polen-pistilo en ciruelo japonés: avances metodológicos para la identificación de los alelos S. A. Torres*, M. E. Guerra, J. Rodrigo, A. Hedhly.

S203: AppleBIOME: Estudio del microbioma de manzano para obtener variedades más resilientes y cultivos más sostenibles. Beatriz E. García-Gómez*, Amaia Nogales, Nicole Pradas, Lidia Lozano, Ignasi Argilés, Walter Guerra, Elias Holzknecht, Thomas Letschka, Markus Bradlwarter, Auréliene Petiteau, Hélène Muranty, François Laurens, Frédérique Didelot, Eric Grange, Mariusz Lewandowski, Sylwia Keller-Przybylkowicz, Joanna Pulawska, Monika Michalecka, Marijn Rymenants, Michaela Jung, Andrea Patocchi, Maria José Aranzana.

S204: Control genético de la fecha de cosecha y caracteres de calidad en un programa de mejora genética de "Melocotón de Calanda". Celia M. Cantín*, Jerome Grimplet.

S205: Detección de viroides relacionados con el mosaico de la higuera en clones de "Cuello Dama Blanco" mediante RT-PCR. Francisco Javier Toro González, Yolanda Romano, Guadalupe Domínguez, Fernando Pérez-Gragera, Manuel J. Serradilla, Margarita López-Corrales*.

S207: Identificación de regiones genómicas asociadas a caracteres de interés en la primera población multiparental MAGIC de berenjena. Jose Luna*, Andrea Arrones, Virginia Baraja, Mariola Plazas, Jaime Prohens, Pietro Gramazio, Santiago Vilanova.

S208: Desarrollo de un protocolo ddRAD-seq reproducible y su aplicación en el análisis de asociación en melocotonero. Najla Ksouri, Gerardo Sánchez, Carolina Font i Forcada, Bruno Contreras-Moreira*, Yolanda Gogorcena*.

10:30h. Desayuno

11:00h. Sesión 2. *Métodos de Mejora y Herramientas Moleculares (2/2)*

Comunicaciones orales

S209: Mapping the genomic landscape of peach and almond with PrunusMap. Najla Ksouri, María Ángeles Moreno, Bruno Contreras-Moreira*, Yolanda Gogorcena*.

S2O10: Estudio de asociación de genoma completo (GWAS) para caracteres agronómicos y de la eficiencia en el uso del agua en fresa. Mario Ruiz-Velázquez, Francisco Javier Roldán Guerra,

Cristina Castillejo, José F. Sánchez-Sevilla, Elsa Martínez Ferri, María-Teresa Ariza Fernández, Iraida Amaya*.

S2O11: Extracción de ARN en kiwi: método de alta calidad a partir de hojas y raíces. Amparo Primo-Capella*, Félix Morán, Victoria Ibáñez, María Ángeles Forner-Giner, Mary-Rus Martínez-Cuenca.

S2O12: Predicción genómica para la mejora del maíz de doble aprovechamiento. Noemi Gesteiro*, James Holland, Rogelio Santiago, Ana Butrón, Leonardo D. Gomez, Rosa Ana Malvar.

S2O13: Desarrollo de marcadores SNP asociados a androesterilidad y apomixis en cítricos. Rafael Montalt, José Cuenca, María Carmen Vives, Pierre Mournet, Luis Navarro, Patrick Ollitrault*, Pablo Aleza*.

S2O14: Identificación de loci que controlan caracteres agronómicos y de calidad del fruto mediante estudios de asociación en fresa. Pilar Muñoz, F. Javier Roldán-Guerra, Sujeet Verma, Mario Ruiz-Velázquez, Rocío Torreblanca, Nicolás Oiza, Cristina Castillejo, José F. Sánchez-Sevilla, Iraida Amaya*.

S2O15: Reloj circadiano y regulación del metabolismo: el papel del gen *NAD-DEP44ENDENT MALIC ENZYME 1 (NAD-MEI)*. S. Coves*, P. Soengas, R. Abilleira, M. Francisco.

S2O16: Evaluación del impacto del Skim Whole Genome Resequencing (SWGR) en la detección de polimorfismos en berenjena. Virginia Baraja-Fonseca*, Andrea Arrones, Santiago Vilanova, Mariola Plazas, Jaime Prohens, Aureliano Bombarely, Pietro Gramazio.

S2O17: Análisis de las regiones terminales de los cromosomas de trigo que podrían intervenir en meiosis, con el objetivo de mejorar su resiliencia en un escenario de calentamiento global. Ana Gálvez-Galván, Manuel A. Garrido-Ramos, Miguel Aguilar, Pilar Prieto*.

Comunicaciones Póster

S2P1: Identificación de cultivares de Bayas de Goji de interés para el mercado fresco cultivados en el norte de Extremadura. María Ramos*, Noelia Nicolás, Marta Ramajo, Guadalupe Domínguez, Elena García.

S2P2: Estudio de la función de *FaARF6* en el control del tamaño del fruto en fresa. Mario Ruiz-Velázquez, Raquel Muñoz-de Frutos, Pilar Muñoz, José F. Sánchez-Sevilla, Cristina Castillejo, Iraida Amaya.

S2P3: Metagenoma de plantas de melón y sandía cultivadas en diferentes condiciones agroecológicas. Efecto del manejo sobre la estructura y composición de las comunidades microbianas asociadas. Ana Garcés-Claver, Jérôme Grimplet, Oreto Fayos, Carmen Julián, Vicente González*.

S2P4: Modulando la morfología del fruto de variedades tradicionales de melón mediante la introducción de genes identificados en diversas genotecas de líneas de introgresión. Gorka Perpiña, Lorena Bellver, Carlos Alandes Delgado, Andrea Berruga Pérez, Belén Picó, Antonio José Monforte*.

S2P5: Caracteres reproductivos en la línea NIL SC10-2 de melón derivada de la introgresión del cultivar coreano Songwhan Charmi en el cultivar Piel de Sapo. David Bernabeu, María Ferriol, Sandra Cabel, Antonio Monforte, Carlos Romero.

S2P6: Factores genéticos responsables de la variación natural en el contenido de azúcares en el fruto de fresa. Francisco Javier Roldán-Guerra, Cristina Castillejo, Pilar Muñoz, Hugo Galván-Gámez, José Luis Ordóñez-Díaz, José Manuel Moreno-Rojas, José F. Sánchez-Sevilla, Irida Amaya.

S2P7: Programa de mejora de almendro del IRTA: cincuenta años de actividad (1974-2024). Alejandro Calle*, Agustí Romero, Xavier Miarnau, Leontina Lipan, Iban Eduardo, Francisco J. Vargas, Ignasi Batlle.

S2P8: Caracterización de la expresión génica durante el desarrollo del fruto del olivo (*Olea europea* L.). Alicia Serrano*, Martin Moret, Francisco Luque.

S2P9: ¿Ha sido efectivo el programa de desarrollo de líneas de maíz con concentraciones diferenciales en diferulatos de pared? Implicaciones en diversos usos. Ana López-Malvar, Xose Carlos Souto, Rosa Ana Malvar, Ana Butrón, Rogelio Santiago*.

S2P10: Desarrollo de una población inter-específica de tomate (*Solanum lycopersicum* var. *cerasiforme* y *S. pimpinellifolium*) y análisis GWAS en la misma para caracteres de interés. Andrea Arrones*, Oussama Antar*, Leandro Pereira-Dias, Andrea Solana, Paola Ferrante, Giuseppe Aprea, Mariola Plazas, Jaime Prohens, María José Díez, Giovanni Giuliano, Pietro Gramazio, Santiago Vilanova.

S2P11: Validación funcional por CRISPR/Cas de genes involucrados en la síntesis de clorofila en la piel del fruto de la berenjena. Andrea Solana*, Marina Martínez-López, Andrea Arrones, Mariola Plazas, Jaime Prohens, Santiago Vilanova, Pietro Gramazio.

S2P12: Estudio del modelo de segregación cromosómica de parentales tetraploides y su implicación en la mejora genética de cítricos. Andrés García-Lor, Miguel Fernando Garavello, Houssem Rouiss, Ana Cristina Benedict, María Hernández, Luis Navarro, Patrick Ollitrault, Pablo Aleza*.

S2P13: GenoVarView: una plataforma web para la visualización de bases de datos de polimorfismos genómicos con aplicaciones a la mejora genética. Beatriz Ester García-Gómez*, Carles Onielfa, María José Aranzana.

S2P14: Análisis de la expresión de miRNAs implicados en el desarrollo del fruto de *Cucurbita pepo*. Clara Isabel González-Verdejo*, Charles Ampomah-Dwamena, Ángeles Obrero, Pedro Gómez, Belén Román.

S2P15: Mecanismos de detección del patógeno *Orobanche crenata* en germoplasma de *Vicia ervilia*. Clara Isabel González-Verdejo*, Eva María Córdoba, Salvador Nadal, Belén Román, Mónica Fernández-Aparicio, Carmen María Ávila.

S2P16: Análisis de la expresión de genes implicados en la ruta de síntesis de ácidos grasos en diferentes variedades de *Camelina sativa* (L.) Crantz. Elisa Gómez, Gregorio Hueros, David Mostaza-Colado*, Aníbal Capuano, Pedro V. Mauri.

S2P17: Mapping of resistance genes from potato, *Solanaceae* and other species to the potato genome. Enrique Ritter, Leire Barandalla, Amaia Ortiz, Jose Ignacio Ruiz de Galarreta.

S2P18: Efecto de las condiciones climáticas sobre la fenología y transcriptómica del caqui. Tania Dorta*, Noriyuki Onoue, Tzu-Fan Hsiang, Soichiro Nishiyama, Gabino Ríos, Ryutaro Tao, Manuel Blasco.

S2P19: Desarrollo y optimización de ensayos de RT-PCR para detección de Viroides del mosaico de la higuera. Yolanda Romano*, Francisco Javier Toro, Guadalupe Domínguez, Margarita López-Corrales.

S2P20: Evaluación mediante RT-qPCR del estado sanitario de las variedades tipo Picotas conservadas en el Banco de Germoplasma de cerezo frente a las principales virosis. Yolanda Romano*, Pablo Bañuls, Alfredo García, Margarita López-Corrales.

S2P21: Agrogenómica de la floración en melocotonero. Carolina Font i Forcada, Luis Andrés Ramón-Núñez, Pedro José Blaya-Ros, Alejandro Galindo, Matilde González, Raquel Bertí-Martínez, Ana Puertes, Carles Quesada-Traver, Jesús García-Brunton, Gabino Ríos*.

S2P22: Implementación de nuevas herramientas de fenotipado multi-escala en el Programa de Mejora de trigo en la Estación de Mejora de Plantas (INIAV). Rita Costa*, Rubén Vicente, Artūrs Katamadze, Nuno Pinheiro, Omar Vergara-Díaz, Ana Sofia Bagulho, Ander Yoldi-Achalandabaso, João Reis, Conceição Gomes, Armindo Costa, Mónica Caldeira, Benvindo Maças.

14:30h. Comida

16:00h. Sesión ciencia-empresa. “Impacto de la colaboración ciencia-empresa y herramientas de estímulo a la innovación vegetal”.

Introducción sesión. David Lapuente, BIOVEGEN.

Bloque I: Empresas y proyectos innovadores en mejora genética y bioeconomía

- **Gestión de recursos fitogenéticos: Proyecto FITONET.** Lucía de la Rosa (CRF-INIA) y Antonio Monforte (IBMCP-CSIC).
- **Variedades autóctonas como alimentos funcionales a partir de cultivos sostenibles: proyecto NUTRIVEX.** Fernando Almeida (SEMENTARES) y Rosana Malvar (MBG-CSIC)
- **Incubadora de Bioeconomía-IATEX y empresas incubadas.** Sara Martillanes Costumero. (CICYTEX), Irene Palacios Romero (Biottonia Naturacare) y Ángela Chávez Sánchez (Soluciones Dehesa Sana).
- **Mejora varietal en higo.** Francisco Balas. (FIKI Europa).

Bloque II: Herramientas de estímulo y financiación de la innovación

- **CDTI Innovación.** Carlos Franco
- **AEI-Agencia Estatal de Investigación.** Estefanía Freitas Alves.
- **Preguntas y conclusiones**

18:30h. Reunión SECH

19.00h. Fin de Jornada

21:30h. Cena de Gala.

Lugar: Casa Palacio Huerta del Conde.

Jueves 26 de septiembre

9:00h. Sesión 3. *Mejora de resistencias a estrés abiótico*

Comunicaciones orales

S3O1: Tolerancia a salinidad de variedades autóctonas de higuera en Extremadura. Antonio J. Galán, Guadalupe Domínguez, Ana M. Fernández-León, Ana I. Galván, Ana M. Montero, María Muñoz, Yolanda Romano, Fernando Pérez, Margarita López-Corrales*.

S3O3: Identificación y validación de QTL del diámetro del tallo en tomate. María Urrutia*, Carmen Ruiz-Rubio, Octavio Gómez-Gordo, Juan Carlos Mateos del Amo, Eva Domínguez, Rafael Fernández-Muñoz.

S3O4: Transcriptoma del híbrido interespecífico *Solanum insanum* x *S. melongena* en respuesta a estrés salino y comparación con ambos parentales. Neus Ortega-Albero*, Miguel Díaz-Riquelme, Ana Fita, Adrián Rodríguez-Burruezo.

Comunicaciones Póster

S3P1: Fenotipado de variedades de higuera autóctonas de Extremadura tolerantes a sequía. Domínguez MG, Galán AJ, Galván AI, Cordero M, Romano Y, Fernández A., Montero de Espinosa A., Pérez- Gragera, F., Cuadrado, I., Galea MC, López- Corrales, M*.

S3P2: Estimación in vitro de la tolerancia al estrés hídrico en una colección de genotipos de *Vicia sativa* L. Juan M. González*, Yolanda Loarce, Lucía De la Rosa, Elena Ramírez-Parra*.

S3P3: Herramientas genómicas para el cultivo de albaricoques resilientes al cambio climático. Ángela Polo-Oltra, Carlos Romero, Elena Zuriaga*.

S3P4: Estrés oxidativo y actividad de enzimas antioxidantes en respuesta al estrés hídrico, en diferentes genotipos de *Vicia sativa*. Isaura Martín*, Marta Guerrero, Marina Palancar, Elena Ramírez.

S3P5: Abordaje multifuncional para la selección de recursos genéticos de veza (*Vicia sativa* L.) para una agricultura sostenible. Lucía De la Rosa*, María Isabel López-Román, Teresa Marcos-Prado, Miguel A López, Luis M. Guasch, Cristina Castaño-Herrero, Raúl San-Juan-Heras, Jose L. Gabriel, Elena Ramírez-Parra*.

S3P6: Evaluación de ecotipos de pimiento (*Capsicum annuum* L.) en condiciones de bajos insumos en dos localidades valencianas. Marisa Jiménez-Pérez*, Ana M. Adalid-Martínez, Estela Moreno-Peris, Elena Hinojal-Vicente, Alicia Iborra-López-Milla, David Hernández-Meseguer, Roberto Juan-Méndez, Miguel Díaz-Riquelme, Ana Fita, Adrián Rodríguez-Burruezo.

S3P7: Evaluación de la actividad enzimática de la rizosfera en pimiento en presencia de bioestimulantes microbianos y reducción de fertilización. Marisa Jiménez-Pérez*, Estela Moreno-Peris, Ana M. Adalid-Martínez, Alicia Sánchez-Sánchez, Elena Hinojal-Vicente, Miguel Díaz-Riquelme, Virginia Hernández, Ana Fita, Pilar Flores, Pilar Hellín, Adrián Rodríguez-Burruezo.

S3P8: Respuesta frente al estrés hídrico en los parentales, híbridos F1 y un subconjunto de líneas endogámicas recombinantes de una población MAGIC de berenjena. Martín Flores-Saavedra, Mariola Plazas, Pietro Gramazio, Oscar Vicente, Santiago Vilanova, Jaime Prohens.

S3P9: Alternative splicing como mecanismo de regulación en la expresión de los genes DAM en cerezo. N. Martínez-Romera, A. Wunsch, A.P. Gracia, M. Girón, A. Calle, A. Hedhly*.

10:30h. Desayuno

11:00h. Sesión 5. *Mejora de la calidad y valor nutritivo*

Comunicaciones orales

S5O1: Evaluación de la calidad organoléptica y nutricional de híbridos de variedades tradicionales de tomate tipo Rosa con resistencias a virus. Alicia Sánchez-Sánchez*, Virginia Hernández, Pilar Flores, Santiago García-Martínez, Pedro Carbonell, José Ángel Cabrera, Elena Sánchez, Elia Molina, Nuria López, Pilar Hellín.

S5O2: Análisis genético de compuestos fenólicos en cerezo. C. Gracia, A. Calle, M.J. Serradilla, K. Gasic, A. Wünsch*.

S5O3: Determinación de la heredabilidad para estabilidad oxidativa y composición ácida del aceite de oliva mediante NIRS. Hande Yılmaz-Düzyaman*, Raúl de la Rosa, Leonardo Velasco, Nieves Núñez-Sánchez, Lorenzo León.

S5O4: La variación natural en el contenido de carotenoides del fruto de fresa está controlada por el gen *CCD4(4B)*. Iraida Amaya*, F. Javier Roldán-Guerra, José L. Ordóñez-Díaz, Rocío Torreblanca, Henning Wagner, Klaus Olbricht, José M. Moreno-Rojas, José F. Sánchez-Sevilla, Cristina Castillejo*.

S5O5: Desvelando la Interacción entre la Síntesis de Etileno, la Producción de Compuestos Volátiles y la Respiración durante la Maduración del Melón. Sergio García-Carbonell, Miguel Santo Domingo, Carlos Mayobre, Jordi García-Mas, Igor Florez-Sarasa*, Marta Pujol*.

Comunicaciones Póster

S5P1: Estudio del contenido en Vitamina C en fresa y su relación con el entorno. Raquel Muñoz de Frutos, Francisco Javier Roldán Guerra, Mario Ruiz Velázquez, Klaus Olbricht, Sonia Osorio, Luis Miranda, Carmen Soria, Cristina Castillejo, José F. Sánchez-Sevilla, Iraida Amaya Saavedra*.

S5P2: Calidad del fruto y valor nutricional de híbridos obtenidos a partir de variedades tradicionales de tomate tipo Cherry. Alicia Sánchez-Sánchez*, Virginia Hernández, Pilar Flores, Elena Sánchez, Elia Molina, Nuria López, Pilar Hellín.

S5P3: Evaluación del contenido en ácido clorogénico, pardeamiento y la actividad polifenol oxidasa de diferentes tipos varietales de berenjena para la mejora de la calidad visual y nutricional. Gloria Villanueva, Santiago Vilanova, Mariola Plazas*.

S5P4: Caracterización nutricional de catorce variedades de pecanero *Carya illinoensis* (Wangenh.) K.Koch en Extremadura. Domínguez MG, Fernández A., Serradilla M., Velázquez R., López-Corrales M.

S5P5: Caracterización de una población bi-parental de trigo blando (*Triticum aestivum* L.) para calidad funcional. José Jorge Palma, Mario Fernández-González, Araceli Espí, Patricia Giraldo, Laura Pascual*.

S5P6: Marcadores genéticos que determinan el tamaño del fruto en el olivo. Martín Moret*, Alicia Serrano, Lorenzo León, Raúl de la Rosa, Francisco Luque.

S5P7: Estudio de parámetros de calidad en nuevos híbridos de melón tradicional. Nuria López Pérez, María Elena Sánchez López, Josefa Gomariz Pérez, Elia Molina Menor, M^a Pilar Flores Fernández-Villamil, M^a Pilar Hellín García.

S5P8: Recuperación del sabor en nuevas variedades de melón procedentes de variedades tradicionales. Nuria López Pérez*, María Elena Sánchez López, Josefa Gomariz Pérez, Elia Molina Menor, M^a Pilar Flores Fernández-Villamil, M^a Pilar Hellín García.

S5P9: Bioestimulación en praderas. Ensayo con agente nutricional y humectante de 4^a generación. Pedro V. Mauri*, José F. Marín, Elisa Gómez, Alejandro Alonso, Pedro Muñoz, David Mostaza-Colado.

S5P10: Valorización del trigo duro para la producción de pastas Nuno Pinheiro *, Rita Costa, Ana Sofia Bagulho, Conceição Gomes, Armindo Costa, Mónica Caldeira, Benvindo Maças

13.00h Sesión 6. Nuevos cultivos frente al reto del cambio climático

Comunicaciones orales

S6O1: Un cerezo "siempre verde" para mejora e investigación. A. Hedhly, N. Martinez, J. Marin, A. Arbeloa, E. Garcia, A. Wünsch*.

S6O2: Caracterización de las necesidades de frío en variedades de albaricoquero usando la meiosis del polen como biomarcador del reposo. Erica Fadón*, Tudor I. Gheban, Sara Herrera, Javier Rodrigo.

Comunicaciones Póster

S6P1: Rastreo preliminar de patrones de cítricos frente a bajas temperaturas. Amparo Primo-Capella*, Mary-Rus Martínez-Cuenca, Mariángeles Forner-Giner.

S6P2: Selección de variedades de cucurbitáceas aptas para su cultivo en condiciones de déficit hídrico y salinidad. Ana Pérez-de-Castro, Carlos Alandes, Laksmi Anak Agung Ayu, Lorena Bellver, Andrea Berruga, Miguel Bracho Gil, María José Díez, Miguel Ezquerro, María García-Cabrera, Sara Mares, Gorka Perpiñá, Rosa Peiró, Laura Prósper, Silvia Ramos, Israel Quintanilla, Jordi Vidal, Carlos Puig, Santiago García-Martínez, Juan José Ruíz-Martínez y Belén Picó Sirvent*.

XI Congreso de Mejora Genética de Plantas
24-26 de septiembre, Cáceres
www.sech.info/mejoragenetica2024/



S6P3: Efecto de *HvFT3* sobre el desarrollo de la inflorescencia y los componentes del rendimiento en cebada de invierno Aziza Zerrouk*, Ana M.Casas, Ernesto Igartua.

S6P4: Selección de híbridos de mandarino King (*Citrus nobilis* Lour) x *Poncirus trifoliata* ((L.) Raf.) como patrones de cítricos tolerantes a estrés salino. Amparo Primo-Capella, María Ángeles Forner-Giner, Mary-Rus Martínez-Cuenca*.

S6P5: Impacto del calentamiento global en el cultivo y la mejora del cerezo: necesidades agroclimáticas y adaptación a las nuevas condiciones. N. Santolaria*, L. Castel, J. Rodrigo, E. Fadón.

S6P6: Importancia de las necesidades agroclimáticas para la selección de variedades de almendro en un contexto de cambio climático. Patricia Irisarri*, Erica Fadón, Lourdes Castel, José Manuel Alonso, Javier Rodrigo.

S6P7: Multiplicación in vitro de *Cistus ladanifer* para preservar quimiotipos de interés industrial P.V. Mauri*, C. Villareal, C. Cano, M. Ruíz-Galea, A. Sánchez-Gorostiaga.

S6P8: ‘Cebas-47’, nueva variedad de albaricoquero de bajas necesidades de frío y maduración temprana del CEBAS-CSIC. David Ruiz*, Juan Alfonso Salazar, Manuel Rubio, Antonio Molina Jr., Jesús López-Alcolea y José Egea.

14:00h. Comida

15:30h. Conferencia de Clausura. “Carrera científica en España: Sí se puede (pero cuesta mucho)”. José Miguel Mulet. (Catedrático Universidad Politécnica de Valencia)

16:15h. Acto de Clausura

17:00h. Visita Técnica: *Incubadora De Alta Tecnología Especializada en Bioeconomía y Economía Circular*. Mérida. (Badajoz). Pausa Café.

20:00h. Fin del congreso